PL2 BIOEQUIVALENCE STUDY: PRACTICAL APPROACH

อุทัย สุวรรณกูฏ คณะเภสัชศาสตร์ จุฬาลงกรณ์มหาวิทยาลัย

การศึกษาชีวสมมูล (Bioequivalence) โดยวิธีการตรวจวัดความเข้มข้นของยา (Active drug) ในรูปที่ไม่เปลี่ยนแปลง (Unchanged form) หรือเมตาโบไลต์ จากของเหลวชีวภาพ ซึ่งอาจ เป็นพลาสมา เซรัม หรือปัสสาวะที่เก็บจากอาสาสมัครหลังการให้ผลิตภัณฑ์ยาที่ต้องการศึกษาและ ผลิตภัณฑ์ยาต้นแบบที่เวลาต่าง ๆ สามารถดำเนินการได้โดยง่าย เนื่องจากในปัจจุบันมีเครื่องมือ วิเคราะห์ประสิทธิภาพสูงที่มีทั้งความไว ความเฉพาะเจาะจงสามารถแยกวิเคราะห์สารที่ต้องการ mostra 🚜 แม้ในระดับความเข้มข้นน้อย ๆ ได้อย่างถูกต้อง เช่น LC/MS, GC/MS, HPLC และ GC อย่าง Moduta > ไรก็ตามในทางปฏิบัติมีข้อที่ควรระมัดระวัง ได้แก่

1. ผลิตภัณฑ์ยาที่ศึกษามีความไม่สมมูลกันทางเภสัชกรรม (Non-pharmaceutical equivalence) ดังนั้นก่อนลงมือดำเนินการทางด้าน In vivo ต้องทำการพิสูจน์
Pharmaceutical equivalence of drug-product ก่อน โดยการตรวจรังวิ

Content uniformity of dosage unit

1.3 Dissolution profile

1.4 In vitro testing อื่นๆ

2. การศึกษา In vivo

2.1 อาสาสมัคร^ท> /2

2.2 การออกแบบการทดลอง

Crossover design (Balance) 2.2.1

Crossover design (Unbalance) so y elisselve : intue o postos

CN > 20 X

2.2.3 Balanced incomplete block design
2.2.4 Parallel design (Completely randomized design)
2.3 จำนวนตัวอย่างและระยะเวลาที่เก็บตัวอย่าง
2.4 การ Validate วิธีวิเคราะห์หาความเข้มข้นของยาในของเหลวชีวภาพ
รถทุกใน อาการ Validate วิธีวิเคราะห์หาความเข้มข้นของยาในของเหลวชีวภาพ
รถทุกใน อาการ ประการ เกราะห์หาความเข้มข้นของยาในของเหลวชีวภาพ
2.4.1 Stability of stored sample มีการเกราะห์หาความเข้มข้นของยาในของเหลวชีวภาพ
2.4.2 Range and Linearity of standard calibration curve ที่เด้ว 6 คุณ
2.4.3 Accuracy (relative recovery)
2.4.4 Precision
2.4.4 Precision

2.4.4.1 Within run / Intra-day (Repeatability) q peck witho (Ishthang on)

Records of the first of the first

SAS

2.4.4.3 Sensitivity

- 2.4.5 Limit of quantitation
- 2.4.6 Specificity
- 2.5 Pharmacokinetic parameters data
 - 2.5.1 การได้มาของข้อมูลพารามิเตอร์เภสัชจลนพลศาสตร์
- 2.5.2 Outlier consideration so apart to sta part to sin origin yander. A an origin how data with history the total to the original and host on before 2.5.3 Missing data two hand the total total ora go with no to host on before

כנה עוף בת הפלוות ב- כל פתעשל いかかり、かつついしかいちいち In'equiple of a stor 2.5.4 Logarithmic transformation of the data Cmar AUC take log - arlag อา

- 9 VIVI Sell shape การใช้สถิติวิเคราะห์ข้อมูล

UST 2-Wy classificate muvocossoverdence.

2.6.1 Analysis of Variance (ANOVA) 'n, n = 12 Vaniance is A, Boisons an

- Ilalina numel dis Tributs 2.6.1 -> 11 Al mo 95 61) 109 5410

2.6.2 90% Confidence Interval (Two One-Sided Test)

เกณฑ์การตัดสินชีวสมมูล AUC: 1000 - 1000 290 MV. 2.7.1 90% CI ของผลต่างค่าเฉลี่ย C_{max} & AUC = 80-120 % สำหรับ ข้อมูลปกติ 🕁 🕉 ว่า ว่าออๆ 🗥 = 1000 your -, of 281 Too

2.7.2 90% CI ของผลต่างค่าเฉลี่ย C_{max} & AUC = 80-125 % สำหรับ ข้อมูล Log-transformed 🔿 ร่ง มา ป้อง biogrivalence

ตัวอย่างตาราง ANOVA

ANOVA สำหรับ Two way crossover design $\alpha = 0.05$, $n_1 = n_2 = n = 0.05$

Source of variation	sul	6] = 24 ; Of = to	tal-1 = 24-1		
Source of variation	df	Sum of squares	Mean square	F _c	F,
Total	23	SST	-	-	-
Sequences	1	SSQ	MSQ = SSQ/1	MSQ/MSS	4.9
Subject (sequence)	10	SSS	MSS = SSS/10	MSS/MSE	2.9
Periods		SSP	MSP = SSP/1	MSP/MSE	4.9
Formulations of วันเก A	B 1	≗ SSF	MSF = SSF/1	MSF/MSE	4.9
Error 23 - no mon	10	SSE	MSE = SSE/1	_	-

2.8.2 ANOVA สำหรับ parallel design $\alpha = 0.05$, $n_1 = n_2 = n = 24$

24-748-1:47

Source of variation	df	Sum of squares	Mean square	F _c	F_{ι}
Total	47	SST	-	-	-
Formulations 2-1	1	SSF	MSF = SSF/1	MSF/MSE	4.05
Error 47-1	46	SSE	MSE = SSE/4	=	-

S20

2.9 ตัวอย่างสูตรคำนวณ 90% Confidence Interval

90% CI =
$$\begin{bmatrix} \overline{X} - \overline{X} & t \\ \overline{X} - \overline{X} & t \\ \overline{X} & X \end{bmatrix} \times 100$$

where ; X_i = mean observed response with formulation i, i = T, R

(where T and R denote the test and reference formulations)

S = standard error of the difference in formulation means using

The mean square error obtained from the analysis of variance

V = degree of freedom for error

to.1: om in df ris MSE

subj 12 au not = 10 -> 12 noinous -> 0.812