

การหาเครื่องหมายโมเลกุลที่สัมพันธ์กับ QTLs ที่ควบคุมลักษณะอายุวันออกดอกสั้น ในประชากร BC₅F₂ ของกลุ่มผสมระหว่างข้าวไวต่อช่วงแสงพันธุ์ กข6 และข้าวไม่ไวต่อช่วงแสง พันธุ์ ไทชุง 65

Identification of Molecular Markers Linked to QTLs Related to Early Heading Date in BC₅F₂ Population from the Cross of Photoperiod-sensitive RD6 and Photoperiod-insensitive Taichung 65 Varieties

สุเทพ วัชรเวชศฤงคาร¹ วราภรณ์ แสงทอง¹ แสงทอง พงษ์เจริญกิต¹ และช่อทิพา สกุลสิงหาโรจน์¹

บทคัดย่อ

อายุวันออกดอกเป็นลักษณะทางการเกษตรที่สำคัญอย่างหนึ่งในข้าวแต่ละพันธุ์มีการปรับตัวให้สามารถปลูกได้ในพื้นที่ และฤดูกาลที่แตกต่างกัน นอกจากนี้อายุวันออกดอกที่เปลี่ยนแปลงไปมีผลอย่างมากต่อผลผลิตข้าว อายุวันออกดอกจึงเป็นวัตถุประสงค์หลักในการปรับปรุงพันธุ์ข้าว ดังนั้นการทดลองนี้ได้หาเครื่องหมายโมเลกุลจำนวน 11 ตำแหน่ง ที่พบในสายพันธุ์ข้าวเหนียว กข6 ไม่ไวต่อช่วงแสง BC₃F₅-1752(6) มาใช้ศึกษาหาความสัมพันธ์ของเครื่องหมายโมเลกุลที่อยู่ใกล้หรือยึดติดกับ QTLs ที่ควบคุมลักษณะอายุวันออกดอกสั้นในประชากรผสมกลับของข้าวเหนียวสายพันธุ์ กข6 ไม่ไวต่อช่วงแสง BC₅F₂ จำนวน 248 ต้น ผลการทดลองจากการศึกษาความสัมพันธ์ระหว่างยีนในไทป์กับอายุวันออกดอก (พีโนไทป์) ด้วยวิธี Single-Factor Analysis of Variance พบว่าเครื่องหมายโมเลกุลทั้ง 11 ตำแหน่ง มีความสัมพันธ์กับลักษณะอายุวันออกดอกสั้นอย่างมีนัยสำคัญยิ่ง ($P < 0.01$) จากนั้นทำการวิเคราะห์ค่าสมการการถดถอยหลายตำแหน่งด้วยวิธี multiple regression ของเครื่องหมายโมเลกุลที่แสดงความสัมพันธ์กับลักษณะอายุวันออกดอกสั้น พบเครื่องหมายโมเลกุลจำนวน 3 ตำแหน่ง คือ *er3* marker มีความสัมพันธ์กับลักษณะอายุวันออกดอกสั้นมากที่สุด ($P < 0.0001$) โดยมีค่า partial R-square เท่ากับ 0.1410 รองลงมา คือ เครื่องหมายโมเลกุล *hd1* marker และ *hd2* marker ที่แสดงความสัมพันธ์กับลักษณะอายุวันออกดอกสั้นอย่างมีนัยสำคัญยิ่ง ($P < 0.0001$) มีค่า partial R-square เท่ากับ 0.0891 และ 0.0611 ตามลำดับ ดังนั้นสามารถใช้เครื่องหมายโมเลกุล *er3* *hd1* และ *hd2* markers มาช่วยคัดเลือกในการปรับปรุงพันธุ์ข้าวเหนียวสายพันธุ์ กข6 ไม่ไวต่อช่วงแสงให้มีอายุวันออกดอกที่เหมาะสมได้ต่อไป

คำสำคัญ : ข้าว อายุวันออกดอก เครื่องหมายโมเลกุล การตอบสนองต่อช่วงแสง SSR marker

Abstract

Heading date is an important trait of each rice varieties which adapts it self to grow in different areas and seasons. Beside, change in heading date has a much effect on rice yields. Thus heading date is a major objective in rice breeding programs. Therefore, 11 molecular markers, found in photoperiod-insensitive glutinous rice RD6 line BC₃F₅-1752(6), were analyzed for their relationships with QTLs that control early heading date trait in BC₅F₂ population of photoperiod-insensitive glutinous rice

¹ สาขาพันธุศาสตร์ คณะวิทยาศาสตร์ มหาวิทยาลัยแม่โจ้ จังหวัดเชียงใหม่ 50290

พ.ศ. 2554 (วารสารณ์ และคณะ, 2555) ซึ่งเมื่อรวมกับระยะเวลาการพัฒนาของเมล็ดจนกระทั่งสุกแก่พร้อมเก็บเกี่ยว ทำให้ข้าวเหนียว กข6 ไม่ไวต่อช่วงแสงสายพันธุ์นี้มีอายุเก็บเกี่ยวประมาณ 160 วัน ซึ่งถือว่ามีความเกี่ยวเนื่องที่ยาวนาน ไม่เป็นที่ยอมรับของเกษตรกร ขณะเดียวกันได้มีการปลูกศึกษาพันธุ์ขั้นต้นของสายพันธุ์ข้าวเหนียว กข6 ไม่ไวต่อช่วงแสงจำนวน 53 สายพันธุ์ พบว่ามีสายพันธุ์ที่มีอายุออกดอกสั้น คือสายพันธุ์ RD6 BC₃F₅-1752(6) มีอายุวันออกดอกเมื่อปลูกในฤดูนาปรัง พ.ศ. 2553 และ 2554 เท่ากับ 98 และ 106 วันตามลำดับ จึงทำให้สนใจว่าในข้าวเหนียวสายพันธุ์ RD6 BC₃F₅-1752(6) ได้รับยีนใดจากพันธุ์ให้จึงทำให้ข้าวเหนียวไม่ไวต่อช่วงแสงสายพันธุ์นี้มีอายุวันออกดอกสั้นลง

งานวิจัยนี้จึงมีวัตถุประสงค์เพื่อหาเครื่องหมายโมเลกุลที่อยู่ใกล้ หรือยึดติดกับ QTLs ที่ควบคุมอายุวันออกดอกสั้น และเป็นเครื่องหมายที่มีความสัมพันธ์กับลักษณะอายุวันออกดอกสั้น เพื่อใช้ในการคัดเลือกต้นข้าวในแต่ละครั้งของการผสมกลับเพื่อปรับปรุงพันธุ์ข้าวเหนียวพันธุ์ กข6 ให้ไม่ไวต่อช่วงแสง และมีอายุวันออกดอกที่เหมาะสม

อุปกรณ์และวิธีการ

1. พันธุ์ และสายพันธุ์ข้าวที่ใช้ในการศึกษาประกอบด้วย

ข้าวเหนียวพันธุ์ กข6 เป็นข้าวไวต่อช่วงแสงใช้เป็นพันธุ์รับในการสร้างประชากร

ข้าวเจ้าพันธุ์ Taichung 65 เป็นข้าวไม่ไวต่อช่วงแสงใช้เป็นพันธุ์ให้ในการสร้างประชากร

สายพันธุ์ผสมกลับข้าวเหนียว กข6 ไม่ไวต่อช่วงแสง BC₃F₅-1752(6) ได้จากโครงการปรับปรุงพันธุ์ข้าวเหนียวพันธุ์ กข6 ให้ไม่ไวแสงโดยวิธี molecular marker-assisted backcrossing เพื่อปลูกในฤดูนาปรัง โดยมีข้าวเหนียวไวต่อช่วงแสงพันธุ์ กข6 เป็นพันธุ์รับ และข้าวเจ้าไม่ไวต่อช่วงแสงพันธุ์ Taichung 65 เป็นพันธุ์ให้ ทำการผสมกลับจำนวน 3 ครั้ง และผสมตัวเอง 4 ครั้ง จากนั้นทำการปลูกศึกษาพันธุ์ขั้นต้น ในฤดูนาปรัง (มกราคม-มิถุนายน) ฤดูนาปี (กรกฎาคม-ธันวาคม) พ.ศ. 2553 และฤดูนาปรัง (มกราคม-มิถุนายน) พ.ศ. 2554 ทำการเก็บข้อมูลอายุวันออกดอกพบว่าสายพันธุ์ข้าวเหนียว กข6 ไม่ไวต่อช่วงแสง BC₃F₅-1752(6) มีอายุวันออกดอก 98 94 และ 106 วัน ตามลำดับ ส่วนสายพันธุ์ข้าวเหนียว กข6 ไม่ไวต่อช่วงแสง BC₈F₅-505 มีอายุวันออกดอกในฤดูนาปรัง (มกราคม-มิถุนายน) พ.ศ. 2554 เท่ากับ 129 วัน จึงได้นำสายพันธุ์ข้าวเหนียว กข6 ไม่ไวต่อช่วงแสง BC₃F₅-1752(6) ใช้เป็นพันธุ์ให้ในการสร้างประชากรตัวอย่าง

2. เครื่องหมายโมเลกุล

จากข้อมูลของโครงการปรับปรุงพันธุ์ข้าวเหนียวพันธุ์ กข6 ให้ไม่ไวแสงโดยวิธี molecular marker-assisted backcrossing เพื่อปลูกในฤดูนาปรัง ที่มีการใช้เครื่องหมายโมเลกุลที่เป็น background marker จำนวน 160 ตำแหน่ง ที่แสดงความแตกต่างของแถบดีเอ็นเอระหว่างข้าวพันธุ์รับ (ข้าวไวต่อช่วงแสงพันธุ์ กข6) กับข้าวพันธุ์ให้ (ข้าวไม่ไวต่อช่วงแสงพันธุ์ Taichung 65) ตรวจสอบบนโครโมโซมของสายพันธุ์ข้าวเหนียว กข6 ไม่ไวต่อช่วงแสง BC₃F₅-1752(6) แล้วทำการคัดเลือกเครื่องหมายโมเลกุลที่เป็น homozygous ของอัลลีลข้าวไม่ไวต่อช่วงแสงพันธุ์ Taichung 65 (วารสารณ์ และคณะ, 2551) ได้จำนวน 11 ตำแหน่ง พบบนโครโมโซม 5 จำนวน 2 ตำแหน่ง คือ er3 marker และ RM507 โครโมโซม 6 จำนวน 4 ตำแหน่ง คือ hd1 marker, RM5963, se5 marker และ RM136 และโครโมโซม 7 จำนวน 5 ตำแหน่ง คือ RM505, RM234, RM18, er2 marker และ hd2 marker จึงได้นำเครื่องหมายโมเลกุลทั้ง 11 ตำแหน่ง มาใช้เพื่อหาความสัมพันธ์ระหว่างเครื่องหมายโมเลกุลที่อยู่ใกล้หรือยึดติดกับ QTLs ที่ควบคุมลักษณะอายุวันออกดอกสั้นในประชากรตัวอย่าง

3. การสร้างประชากร BC₅F₂

สร้างประชากร BC₅F₂ เพื่อใช้ในการศึกษาความสัมพันธ์ระหว่างเครื่องหมายโมเลกุลที่อยู่ใกล้หรือยึดติดกับ

QTLs ที่ควบคุมลักษณะอายุวันออกดอกสั้นมีรายละเอียด ดังนี้

3.1 ฤดูนาปรัง (มกราคม-มิถุนายน) พ.ศ. 2553

ปลูกสายพันธุ์ข้าวเหนียว กข6 ไม่ไวต่อช่วงแสง BC₃F₅-1752(6) ในแปลงนาทดลอง จากนั้นทำการตัดช่อดอก มาผสมกลับไปยังพันธุ์รับ (ข้าวเหนียวไวต่อช่วงแสงพันธุ์ กข6) ผลิตเมล็ด BC₄F₁ ได้จำนวน 12 เมล็ด

3.2 ฤดูนาปี (กรกฎาคม-ธันวาคม) พ.ศ. 2553

ปลูกสายพันธุ์ข้าวเหนียว กข6 ไม่ไวต่อช่วงแสง BC₄F₁ จำนวน 12 เมล็ด จากนั้นทำการคัดเลือกด้วยเครื่องหมาย โมเลกุล จำนวน 5 ตำแหน่ง คือ *er3*, *hd1*, *se5*, *er2* และ *hd2* markers ได้ต้นที่มีอีโนไทป์เป็น heterozygous ทั้ง 5 ตำแหน่ง จำนวน 1 ต้น คือ BC₄F₁-2640 นำไปผสมกลับไปหาพันธุ์รับ (ข้าวเหนียวไวต่อช่วงแสงพันธุ์ กข6) ผลิตเมล็ด BC₅F₁ ได้จำนวน 18 เมล็ด

3.3 ฤดูนาปรัง (มกราคม-มิถุนายน) พ.ศ. 2554

ปลูกข้าวเหนียว กข6 ไม่ไวต่อช่วงแสงสายพันธุ์ BC₅F₁ จำนวน 18 เมล็ด จากนั้นทำการคัดเลือกด้วยเครื่องหมาย โมเลกุล จำนวน 5 ตำแหน่ง เหมือนในฤดูนาปี พ.ศ. 2553 ได้ต้นที่มีอีโนไทป์เป็น heterozygous ทั้ง 5 ตำแหน่ง จำนวน 1 ต้น คือ BC₅F₁-4247 ผสมตัวเองผลิตเมล็ด BC₅F₂

4. การวิเคราะห์ความสัมพันธ์ระหว่างเครื่องหมายโมเลกุลที่อยู่ใกล้หรือยึดติดกับ QTLs ที่ควบคุมลักษณะ อายุวันออกดอกสั้น

วิเคราะห์ความสัมพันธ์ระหว่างเครื่องหมายโมเลกุลที่อยู่ใกล้หรือยึดติดกับ QTLs ที่ควบคุมลักษณะอายุวันออกดอกสั้น ในประชากร BC₅F₂ มีรายละเอียดดังนี้

4.1 ปลูกเมล็ด BC₅F₂ เพื่อใช้ศึกษาข้อมูลฟีโนไทป์ ในฤดูนาปรัง (มกราคม-มิถุนายน) พ.ศ. 2555 โดยปลูก 1 ต้นต่อหลุม ระยะปลูก 25x25 เซนติเมตร จำนวน 400 ต้น เก็บข้อมูลอายุวันออกดอก (ข้อมูลฟีโนไทป์) โดยให้หมายเลขประจำกอข้าวจำนวน 248 กอ โดยแต่ละกอกอต้องมีต้นข้าวกออื่นขนานข้างครบทั้งสี่ด้าน จากนั้นสังเกตช่อดอกแรกของข้าวกออื่นๆ บาน 50 เปอร์เซ็นต์ นำมาคำนวณอายุวันออกดอกโดยนับตั้งแต่วันที่เพาะกล้าจนกระทั่งวันที่ช่อดอกแรกบานของข้าวกอที่บาน 50 เปอร์เซ็นต์เพื่อใช้เป็นข้อมูลฟีโนไทป์ (phenotype) ในการวิเคราะห์หาความสัมพันธ์กับเครื่องหมายโมเลกุลที่อยู่ใกล้หรือยึดติดกับ QTLs ที่ควบคุมลักษณะอายุวันออกดอกสั้นที่ใช้เป็นข้อมูลจีโนไทป์ (genotype)

4.2 การเก็บข้อมูลจีโนไทป์ โดยเก็บใบข้าวของต้น BC₅F₂ จำนวน 248 ต้น ที่ใช้ศึกษาข้อมูลฟีโนไทป์มาสกัด ดีเอ็นเอ โดยทำการสกัดดีเอ็นเอจากใบข้าวด้วยชุดสกัดดีเอ็นเอสำเร็จรูป genomic DNA purification kit ของบริษัท Fermentas จากนั้นทำการเพิ่มปริมาณชิ้นส่วนดีเอ็นเอที่ต้องการด้วยปฏิกิริยาพีซีอาร์ โดยมีดีเอ็นเอของข้าวพันธุ์รับ พันธุ์ กข6 และพันธุ์ให้ BC₃F₅-1752(6) และดีเอ็นเอของข้าวแต่ละกอในประชากรที่ทำการศึกษาคือเป็นแม่พิมพ์ โดยในแต่ละปฏิกิริยาประกอบด้วย นำกลั่นปริมาตร 1.5 µl สารละลาย 2x Promega's PCR green master mix (ประกอบด้วย 400 µM dNTPs reaction buffer (pH 9) 3 mM MgCl₂ และเอนไซม์ Taq DNA polymerase 0.1 units/µl) ปริมาตร 7.5 µl สารละลายไพรเมอร์ ชนิด forward และ reverse ของเครื่องหมายโมเลกุลที่อยู่ใกล้หรือยึดติดกับ QTLs ที่ศึกษาจำนวน 11 ตำแหน่ง ที่ความเข้มข้น 5 µM ปริมาตร 2 µl และ ดีเอ็นเอแม่พิมพ์ (DNA template) ปริมาตร 2 µl รวมปริมาตรทั้งหมด เท่ากับ 15 µl เพิ่มปริมาณชิ้นส่วนดีเอ็นเอด้วยเครื่องพีซีอาร์รุ่น PCT-100 โดยตั้งโปรแกรมการทำงานที่อุณหภูมิ 94 องศาเซลเซียส เป็นเวลา 2 นาที ในขั้นตอน pre-denaturing แล้วเริ่มต้นการเพิ่มปริมาณชิ้นส่วนดีเอ็นเอในรอบที่ 1 ด้วยขั้นตอน denaturing ที่อุณหภูมิ 94 องศาเซลเซียส เป็นเวลา 1 นาที ขั้นตอน annealing ที่อุณหภูมิ 53 องศาเซลเซียส เป็นเวลา 1 นาที 30 วินาที และ extension ที่อุณหภูมิ 72 องศาเซลเซียส เป็นเวลา 1 นาที 30 วินาที ทำปฏิกิริยาซ้ำอีกจำนวน 35 รอบ เพื่อเพิ่มปริมาณชิ้นส่วนดีเอ็นเอ และระยะ final extension ที่อุณหภูมิ 72 องศาเซลเซียส เป็นเวลา 5 นาที

เมื่อวิเคราะห์หาค่าสหสัมพันธ์ระหว่างเครื่องหมายโมเลกุลที่อยู่ใกล้หรือยึดติดกับ QTLs ที่ควบคุมลักษณะอายุวันออกดอกตั้งแต่เครื่องหมายกับอายุวันออกดอกในประชากรตัวอย่างของประชากรผสมกลับ BC₁F₂ ด้วยวิธี Single-Factor Analysis of Variance เพื่อวิเคราะห์ว่าเครื่องหมายโมเลกุลที่อยู่ใกล้หรือยึดติดกับ QTLs นั้นมีความสัมพันธ์กับอายุวันออกดอกหรือไม่ โดยใช้โปรแกรมสำเร็จรูป SAS ผลการทดลองพบว่าทุกเครื่องหมายโมเลกุลมีความสัมพันธ์กับลักษณะอายุวันออกดอกอย่างมีนัยสำคัญยิ่ง ($P < 0.01$) โดยเครื่องหมายโมเลกุล *er3* marker, RM507, *hd1* marker, RM5963, *se5* marker, RM136, RM505, RM234, RM18, *er2* marker และ *hd2* marker มีค่า R-square เท่ากับ 0.1429, 0.0661, 0.1150, 0.1097, 0.0645, 0.1094, 0.0379, 0.0442, 0.0409, 0.0513 และ 0.0730 ตามลำดับ (Table 1)

จากนั้นจึงวิเคราะห์หาค่าสมการการถดถอยหลายตำแหน่งด้วยวิธี multiple regression ของเครื่องหมายโมเลกุลที่มีความสัมพันธ์กับลักษณะอายุวันออกดอก ผลการทดลองพบเครื่องหมายโมเลกุล 3 ตำแหน่ง คือ เครื่องหมายโมเลกุล *er3* marker มีความสัมพันธ์กับลักษณะอายุวันออกดอกมากที่สุด โดยมีความสัมพันธ์กับลักษณะอายุวันออกดอกอย่างมีนัยสำคัญยิ่ง ($P < 0.0001$) และมีค่า partial R-square เท่ากับ 0.1410 รองลงมาคือ *hd1* marker และ *hd2* marker มีค่าน้อยสุด โดยมีค่า partial R-square เท่ากับ 0.0891 และ 0.0611 ตามลำดับ ($P < 0.0001$) (Table 2) (Figure 3, 4 และ 5) สอดคล้องกับรายงานของ Yano *et al.* (2000) ที่ได้ทำการโคลนยีน *Hd1* ที่อยู่บนโครโมโซมที่ 6 ซึ่งเป็น QTL หลักที่ควบคุมการตอบสนองต่อช่วงแสงของข้าว โดยพบว่าอัลลีล *Hd1* ของข้าวไวด่ต่อช่วงแสง Nipponbare เป็น functional allele ยังยั้งการออกดอกของข้าวในสภาพวันยาว ส่วนอัลลีลของข้าวไม่ไวด่ต่อช่วงแสงพันธุ์ Kasalath เป็น non-functional allele ทำให้ข้าวไม่ตอบสนองต่อช่วงแสง ส่วนอัลลีล *Hd1* ของข้าวพันธุ์ Taichung 65 พบว่ามีการเพิ่มขึ้นของลำดับเบส อีก 1901 bp ใน เอกซอนที่ 2 ทำให้เกิดรหัสหยุด (premature stop codon) ทำให้อัลลีล *Hd1* ของข้าวพันธุ์ Taichung 65 สูญเสียการทำงาน จึงทำให้ข้าวพันธุ์ Taichung 65 ไม่ตอบสนองต่อช่วงแสง (Doi *et al.*, 2004) นอกจากนี้ยังสอดคล้องกับงานวิจัยโครงการปรับปรุงพันธุ์ข้าวเหนียวพันธุ์ กข6 ให้ไม่ไวด่แสงโดยวิธี molecular marker-assisted backcrossing เพื่อปลูกในฤดูนาปรัง โดยมีข้าวเหนียวพันธุ์ กข6 เป็นพันธุ์รับ และข้าวเจ้าพันธุ์ Taichung 65 เป็นพันธุ์ให้ ของ วราภรณ์ และคณะ (2551) ที่ได้ทำการศึกษาการถ่ายทอดลักษณะทางพันธุกรรมของยีน *Hd1/hd1* ในสภาพวันยาว พบว่า ต้น BC₄F₂ ที่ออกดอกได้สภาพวันยาวมียีนในไทป์เพียงแบบเดียว คือ hd1hd1

ส่วนเครื่องหมาย *hd2* marker ที่มีค่า partial R-square เท่ากับ 0.0611 เมื่อวิเคราะห์หาค่าสมการการถดถอยหลายตำแหน่งด้วยวิธี multiple regression นั้นสอดคล้องกับรายงานของ Fujino and Sekiguchi (2005) ที่ได้ทำการศึกษาผลของ QTLs 2 ตำแหน่งคือ qDTH-7-1 และ qDTH7-2 มีตำแหน่งอยู่บนส่วนปลายของแขนด้านยาวโครโมโซมที่ 7 ในประชากร F₂ และ BC₁F₁ ที่ได้จากการผสมระหว่าง ข้าวไม่ไวด่ต่อช่วงแสงพันธุ์ Hoshinoyume กับข้าวไวด่ต่อช่วงแสงพันธุ์ Nipponbare โดยพบว่า qDTH7-2 ที่ตรวจสอบด้วยเครื่องหมายโมเลกุล RM1306 มีผลทำให้ข้าวมีอายุวันออกดอกสั้นลง โดยต้น BC₁F₁ ที่มียีนในไทป์แบบ hd2hd2 ของอัลลีลข้าวพันธุ์ Hoshinoyume มีอายุวันออกดอกน้อยกว่าต้นที่มียีนในไทป์แบบ Hd2hd2 เฉลี่ยเท่ากับ 12.2 วัน และตำแหน่งของ qDTH7-2 เป็นตำแหน่งเดียวกันกับยีน *hd2* ซึ่งเป็น QTL ที่ทำให้อายุวันออกดอกของข้าวสั้นลง (Yano *et al.*, 1997)

ในขณะที่เครื่องหมายโมเลกุล *er3* marker แสดงความสัมพันธ์กับลักษณะอายุวันออกดอกมากที่สุดโดยมีค่า partial R-square มากที่สุดเท่ากับ 0.1410 เมื่อวิเคราะห์หาค่าสมการการถดถอยหลายตำแหน่งด้วยวิธี multiple regression นั้นมีตำแหน่งอยู่บนโครโมโซมที่ 5 ซึ่งจากการตรวจสอบเอกสารยังไม่เคยมีรายงานว่า เป็น QTLs ที่เกี่ยวข้องกับการตอบสนองต่อช่วงแสง และอายุวันออกดอกของข้าวซึ่งมีตำแหน่งอยู่บนโครโมโซม 5 มาก่อน (Yano *et al.*, 2001) ดังนั้นจึงเป็นไปได้ว่าตำแหน่งดังกล่าวที่แสดงความสัมพันธ์กับเครื่องหมายโมเลกุล *er3* marker เป็น QTL ใหม่ที่ควบคุมลักษณะอายุวันออกดอกสั้นในข้าวที่ได้จากข้าวพันธุ์ Taichung 65

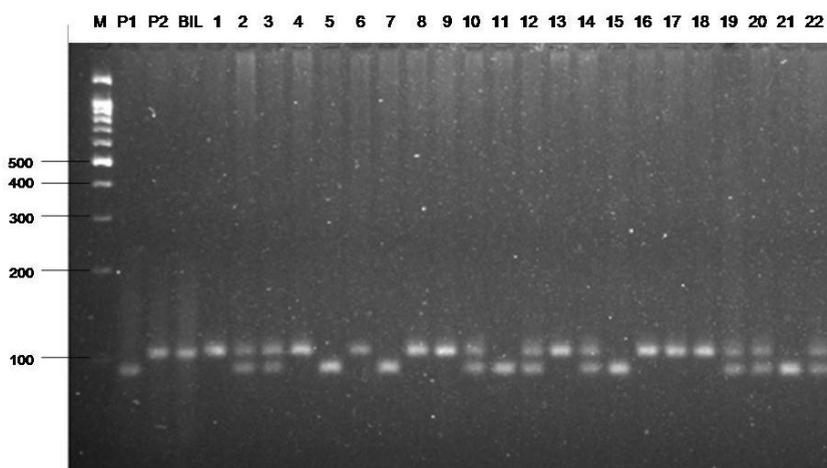


Figure 5 Profiles of *hd2* marker that linked to gene *hd2* on 4% agarose gel in BC_5F_2 population. M represents 100 bp ladder, P1 = RD6, P2 = Taichung 65, BIL= photoperiod-insensitive rice line RD6 BC_3F_5 -1752(6), lane 1-22 are BC_5F_2 population of photoperiod-sensitive RD6 and photoperiod-insensitive Taichung 65 varieties.

สรุปผลการทดลอง

จากการวิเคราะห์หาความสัมพันธ์ด้วยวิธี Single-Factor Analysis of Variance พบว่าเครื่องหมายโมเลกุล จำนวน 11 ตำแหน่ง (*er3* marker, RM507, *hd1* marker, RM5963, RM7434, RM136, RM505, RM234, RM18, RM248 และ *hd2* marker) มีความสัมพันธ์กับลักษณะอายุวันออกดอกสั้นอย่างมีนัยสำคัญยิ่ง ($P < 0.01$) มีค่า R^2 อยู่ระหว่าง 0.0379 - 0.1429 และเมื่อทำการวิเคราะห์หาค่าสมการการถดถอยหลายตำแหน่งด้วยวิธี multiple regression ของเครื่องหมายโมเลกุลที่แสดงความสัมพันธ์กับลักษณะอายุวันออกดอกสั้นจากการวิเคราะห์ด้วยวิธี Single-Factor Analysis of Variance เพื่อหาว่าเครื่องหมายโมเลกุลใดมีความสัมพันธ์กับลักษณะอายุวันออกดอกสั้นมากที่สุด พบเครื่องหมายโมเลกุล 3 ตำแหน่ง คือ เครื่องหมายโมเลกุล *er3* marker มีความสัมพันธ์กับลักษณะอายุวันออกดอกสั้นมากที่สุด ($P < 0.0001$) โดยมีค่า partial R-square เท่ากับ 0.1410 รองลงมาคือเครื่องหมายโมเลกุล *hd1* marker และ *hd2* marker ที่แสดงความสัมพันธ์กับลักษณะอายุวันออกดอกสั้นอย่างมีนัยสำคัญยิ่ง ($P < 0.0001$) มีค่า partial R-square เท่ากับ 0.0891 และ 0.0611 ตามลำดับ ดังนั้นสามารถใช้เครื่องหมายโมเลกุล *er3* marker *hd1* marker และ *hd2* marker มาช่วยคัดเลือกในการปรับปรุงพันธุ์ข้าวเหนียวสายพันธุ์ กข6 ไม่ไวต่อช่วงแสงให้มีอายุวันออกดอกสั้นที่เหมาะสม สามารถนำไปปลูกในพื้นที่ และฤดูกาลที่แตกต่างกันได้ต่อไป

กิตติกรรมประกาศ

ขอขอบคุณหน่วยวิจัยการปรับปรุงพันธุ์ข้าวระดับโมเลกุล มหาวิทยาลัยแม่โจ้ ที่ได้อนุเคราะห์สถานที่ อุปกรณ์ และสารเคมีในการทำวิจัย และภาควิชาพืชไร่ คณะผลิตกรรมการเกษตร มหาวิทยาลัยแม่โจ้ จังหวัดเชียงใหม่ ที่อนุเคราะห์พื้นที่บริเวณฟาร์มวิจัย และพัฒนาการผลิตพืชไร่ เพื่อใช้ในการปลูก เก็บข้อมูลศึกษาลักษณะฟีโนไทป์ของประชากรตัวอย่าง

เอกสารอ้างอิง

- สำนักงานเศรษฐกิจการเกษตร. 2558. ข้อมูลการผลิตสินค้าเกษตร. สืบค้นเมื่อ 15 กุมภาพันธ์ 2558. จากเว็บไซต์: http://www.oaego.th/ewt_news.php?nid=13577.
- วรภรณ์ แสงทอง วิลาวรรณ ศิริพูนวิวัฒน์ ประทีป พิณตานนท์ สมเกียรติ วัฒนวิกรานต์ นลินี รุ่งเรืองศรี อุทัย รุ่งเรืองศรี และ ศุภางค์ ทิพย์พิทักษ์. 2551. รายงานฉบับสมบูรณ์ โครงการการปรับปรุงพันธุ์ข้าวเหนียวพันธุ์ กข6 ให้ไม่ไวแสงโดยวิธี molecular marker-assisted backcrossing เพื่อปลูกในฤดูนาปรัง. เชียงใหม่: มหาวิทยาลัยแม่โจ้. 56 น.
- วรภรณ์ แสงทอง ประทีป พิณตานนท์ พันนิพา ยาใจ พึ่งพร เนียมทรัพย์ และ ศุภางค์ ทิพย์พิทักษ์. 2555. รายงานฉบับสมบูรณ์ โครงการการศึกษาพันธุ์ขั้นต้น และการทดสอบผลผลิตเบื้องต้นของข้าวเหนียวสายพันธุ์ กข6 ไม่ไวต่อช่วงแสง. เชียงใหม่: มหาวิทยาลัยแม่โจ้. 177 น.
- Doi, K., T. Izawa, T. Fuse, U. Yamanouchi, T. Kubo, Z. Shimatani, M. Yano and A. Yoshimura. 2004. Ehd1, a B-type response regulator in rice, confers short-day promotion of flowering and controls FT-like gene expression independently of Hd1. *Genes Dev.* 18:926–936.
- Fujino, K. and H. Sekiguchi. 2005. Mapping of QTLs conferring early heading date in rice (*Oryza sativa* L.). *Theor Appl Genet.* 111:393–398.
- Yano, M., Y. Harushima, Y. Nagamura, N. Kurata, Y. Minobe and T. Sasaki. 1997. Identification of quantitative trait loci controlling heading date in rice using a high-density linkage map. *Theor Appl Genet.* 95:1025–1032.
- Yano, M., Y. Katayose, M. Ashikari, U. Yamanouchi, L. Monna, T. Fuse, T. Baba, K. Yamamoto, Y. Umehara, Y. Ngamura and T. Sasaki. 2000. Hd1, a major photoperiod sensitivity quantitative trait locus in rice, is closely related to the Arabidopsis flowering time gene CONSTANS. *Plant Cell.* 12:2473–2484.
- Yano, M., S. Kojima, Y. Takahashi, H.X. Lin and T. Sasaki. 2001. Genetic control of flowering time in rice, a short-day plant. *Plant Physiol.* 127:1425–1429.